

以縱貫性資料預測高血糖罹患風險

Predicting the Risk of Hyperglycemia Incidence Using Longitudinal Data



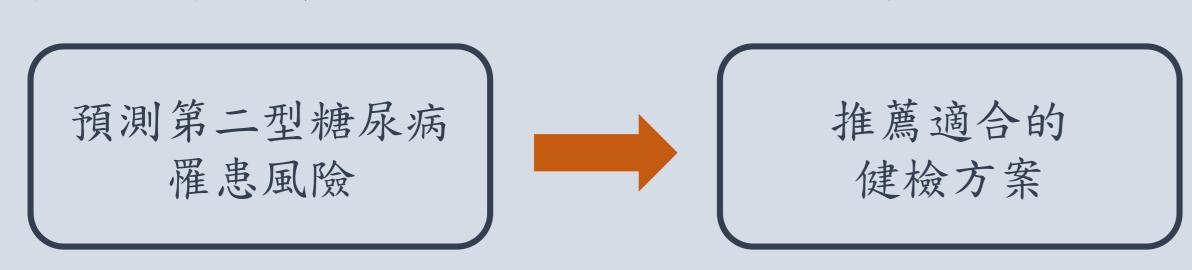
實習單位:中研院資料科學統計合作社 學生:吳俞萱 指導老師:王彥雯老師 單位指導:陳淑君博士

研究背景

代謝症候群(Metabolic Syndrome)不是一個特定的疾病,而是健康 的危險訊號,亦是心血管疾病以及糖尿病的前身。若不及早檢查治療, 將比一般人增加6倍得到糖尿病的風險、4倍高血壓風險,易變成慢性 病病人。臺灣的糖尿病是國人的十大死因之一,根據國健署統計,全 國每年近萬人因糖尿病死亡,目前約有200多萬名糖尿病的病友,且每 年以25,000名的速度持續增加,因此糖尿病及隨之引發的併發症影響 國人健康的程度不容小覷、醫療負擔相當龐大。

研究動機與問題

根據衛福部國健署的代謝症候群手冊中,避免成為代謝症候群的 方法中,其中之一是健檢。因此,我想藉由過往的健檢資料,預測下 次來健檢時的空腹血糖值、推測該名客戶罹患糖尿病的風險,再推薦 適合的健檢方案。如此一來,對需求方而言,可以根據需求有更精密 的健檢,早發現早治療,避免往後演變成難以康復的慢性病。



極大化社會利潤、減少無謂損失(deadweight loss)

根據經濟學,在供給方可以供應的情況下,若知道每個人的需求, 以整體社會而言,就可以極大化社會利潤、減少無謂損失,社會資源 達到最好的配置。

材料與方法

資料來自美兆健康管理機構,是一間私人的健檢中心。資料納入 了2005、2008、2011、2014、2017年, 這五年份為切點的資料, 每人 有三至五筆不等的紀錄。一般判定是否有糖尿病,是看糖化血色素 (HbA1c)、空腹血糖值,或是口服葡萄糖耐受試驗之血漿血糖。有鑑於 在本次的資料中只有空腹血糖值這個評斷標準,因此在此定義高風險 罹患糖尿病是空腹血糖≥100。



本次研究在删去缺失值、篩選出固定時間間隔來的個案以後,剩 下9595名被納入做後續分析,女性為4420名,男女比近一比一。除了 代謝症候群的五個判斷因子以外,還放入了衛福部國健署及國內外文 獻提及罹患高血醣的可能危險因子,並同時有在此份數據中有的變項, 包含連續型的生化數據以及問卷資料(生活習慣、飲食習慣等等)。

分析前,首先對於共線性的問題,使用方差膨脹係數 (variance inflation factor, VIF) 來處理。在盡可能保留代謝症候群的指標,並且 删除越少變項越好的前提之下,拿掉了 BMI 以及膽固醇此兩項變項。 研究限制 接著確認重複測量之間的相關性,利用了下列兩個方法:Covariance Parameter Estimates 以及 Null Model Likelihood Ratio Test, 若無法拒絕 重複測量 covariance 為O之虛無假說,則可忽略重複測量間的相關性、 用一般線性迴歸來分析即可。結果不論用何者,均拒絕虛無假說,可 得出無法忽略重複測量之間的相關性之結論。

為了解決空腹血糖值非常態分佈的問題,無法符合 Mixed effect model的假設。且一開始的研究目的是分類高/低風險,因此Y設定為 binary variable,同時要考慮 Population-averaged effect 以及Subjectspecific effect, 因此採用Generalized linear mixed model (GLMM)以及 Transition model 較為合適。為了預測模型的好壞,所以將資料切割 testing 和validation,資料筆數的比例為7:3。後續的分析是使用SAS, 並將 alpha 值設定為0.05。

Table1. Descriptive statistics of Fasting Plasma Glucose

Mean (med	dian ; sd)	Fasting Plasma Glucose				
Training data set	Male	102(99;16.9)				
	Female	111(108;29.7)				
	Total	100(97;16.4)				
Validation data set	Male	102(99;17.3)				
	Female	97.2(95;14.1)				
	Total	100.1(98;16.1)				

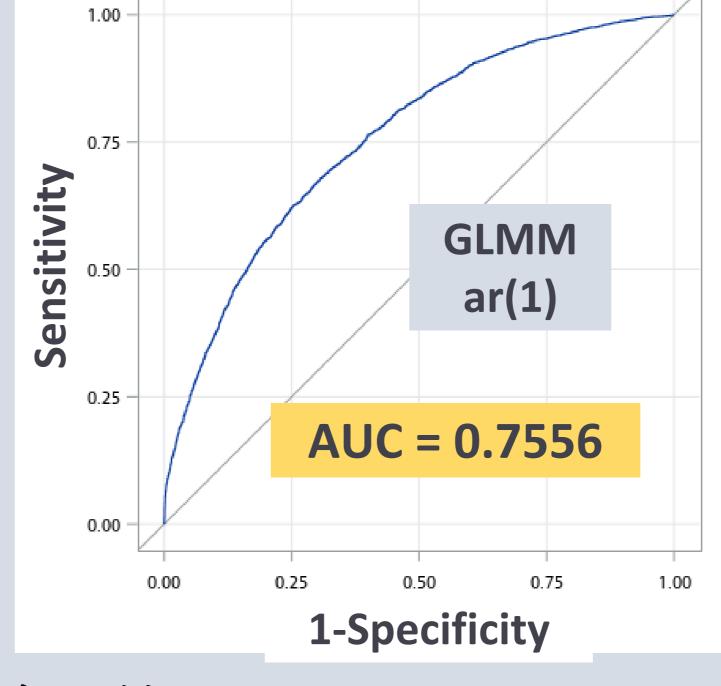
結果與討論

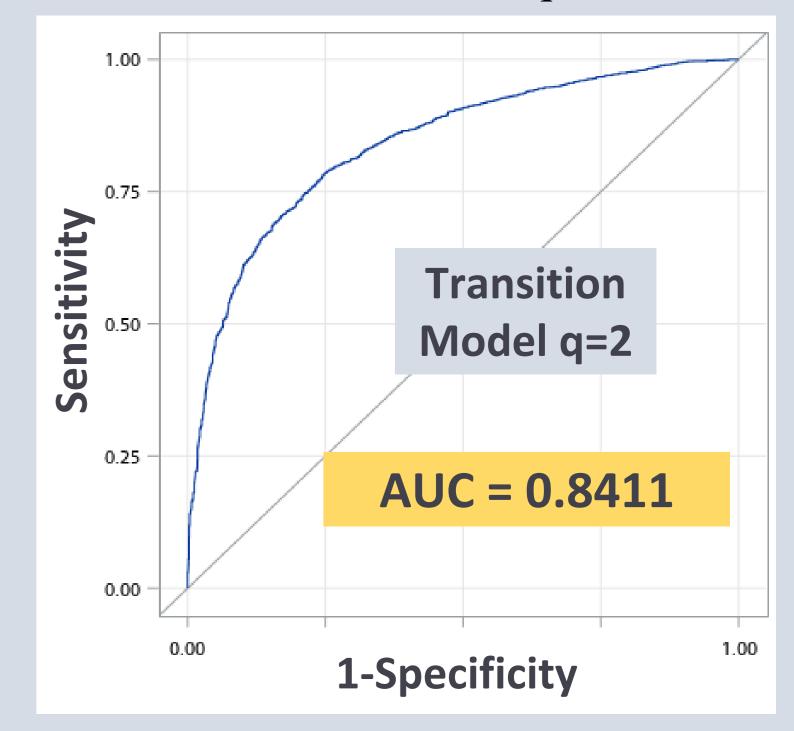
根據數據結果,我們可以得知 transition model和 GLMM 相比之 下,以AUC最大之 transition model 提供了較好的預測。

Table2. AUC, Sensitivity, Specivity, accuracy values for different models.

	AUC		Sen / Spe		accuracy			
	train	valid	train	valid	train	valid		
Generalized Mixed Linear Model (GLMM)								
G-side	0.9344	0.7345	Sen: 0.8501 Spe: 0.8523	Sen: 0.6585 Spe: 0.6846	0.8561	0.6933		
un	0.7288	0.7334	Sen: 0.6437 Spe: 0.6878	Sen: 0.7170 Spe: 0.6300	0.6929	0.6944		
CS	0.7589	0.7551	Sen: 0.6701 Spe: 0.6599	Sen: 0.7201 Spe: 0.6291	0.6936	0.6951		
ar(1)	0.7597	0.7556	Sen: 0.6477 Spe: 0.6857	Sen: 0.7344 Spe: 0.6159	0.6944	0.6946		
Transition Model								
q=1	0.8279	0.8187	Sen: 0.7003 Spe: 0.7686	Sen: 0.7102 Spe: 0.7312	0.7493	0.7386		
q=2	0.8438	0.8411	Sen: 0.7527 Spe: 0.7640	Sen: 0.7366 Spe: 0.7390	0.7609	0.7452		

Figure 1. ROC curves for GLMM ar(1) and Transition model q=2...





- 具有較強健康意識者才會主動進行健檢,因此直接將模型外 推至國人全體可能造成推論上的謬誤
- 納入的變項未能涵蓋所有已知罹患高血醣的可能危險因子

未來可繼續進行

- 結合個人配戴健康裝置的數據,收集到更多變項數據,以精 準推估個人疾病罹患風險
- 考慮預測模型的外推性,使各大健檢中心均可以使用
- 將罹病風險細分為三組,看不同組之間的生化數據是否有變 化模式之規續性